Per quanto concerne i moderatori, relatori, formatori, tutor, docenti è richiesta dall'Accordo Stato-Regioni vigente apposita dichiarazione esplicita dell'interessato, di trasparenza delle fonti di finanziamento e dei rapporti con soggetti portatori di interessi commerciali relativi agli ultimi due anni dalla data dell'evento.

La documentazione deve essere disponibile presso il Provider e conservata per almeno 5 anni.

Dichiarazione sul Conflitto di Interessi

II sottoscri	ttoDA	AVIDE VECCHIO	in (qualità di:
_ r	noderatore	X docente	□ relatore	□ tutor
dell	evento "INDIVII	DUAZIONE DEI DISTURBI DI	EL NEUROSVILUPPO 0-3 AN	NI"
	da ter	nersi per conto di Biomedia s	rl Provider n. 148,	
ai sensi dell'Accordo	Stato-Regione ir	n materia di formazione contin	ua nel settore "Salute" (Forma	zione ECM) vigente,
X che negli ultimi due anr	ni NON ha avut	Dichiara o rapporti anche di finanzia in campo sanitar	mento con soggetti portator io	i di interessi commercia
□ che negli ultimi due ar	nni ha avuto rapp	oorti anche di finanziamento c sanitario (indicare qu	on soggetti portatori di interess uali):	si commerciali in campo

promosso da





in collaborazione con







Corso gratuito online di aggiornamento per pediatri

Individuazione dei disturbi del neurosviluppo 0-3 anni:

indicatori di rischio e predittori prognostici nei disturbi dell'integrazione sensoriale e nello spettro autistico

3, 10, 13, 17, 24, 27 FEBBRAIO 2021 - ORE 18

Programma preliminare

Il corso teorico-pratico, accreditato ECM, è rivolto a medici pediatri, si svolgerà in 6 sessioni oltre a lezioni teoriche di approfondimento per i singoli argomenti del programma, è prevista la partecipazione di professionisti di diverse specialità al fine di rendere completa e multidimensionale la trattazione di ogni area.

LE TEMATICHE PRINCIPALI NELLE SINGOLE SESSIONI SARANNO:

- LA VALUTAZIONE NEUROPSICOEVOLUTIVA DEL NEONATO E DEL BAMBINO NEI PRIMI DUE ANNI, I PRINCIPALI DISTURBI E LE TRAIETTORIE EVOLUTIVE
- LA SOMMINISTRAZIONE DELLA SCHEDA DI SCREENING NEUROEVOLUTIVO 0-24 MESI
- I DISTURBI DELLA PROCESSAZIONE/INTEGRAZIONE SENSORIALE E I DISTURBI DELLO SPETTRO AUTISTICO
- GLI INDICATORI PRECOCI E PROGNOSTICI NEI DISTURBI DELLO SPETTRO AUTISTICO
- SESSIONE PRATICA: ESERCITAZIONE TRAMITE PRESENTAZIONE DI VIDEO PER LA COMPILAZIONE DELLA SCHEDA
- SESSIONE PRATICA: ESERCITAZIONE TRAMITE PRESENTAZIONE DI VIDEO PER L'INDIVIDUAZIONE DEI PREDITTORI PROGNOSTICI NELL'AUTISMO
- · APPROFONDIMENTI TEORICI SU OGNI TEMATICA AFFRONTATA

SALUTI - SANDRA ZAMPA, Sottosegretaria al Ministero della Salute

RELATORI

ALBERTO VILLANI

Presidente Società Italiana di Pediatria (SIP)

TERESA MAZZONE

Pediatra, presidente del Sindacato Italiano Specialisti Pediatri (S.I.S.Pe)

ANDREA DOTT

Pediatra, presidente Società Italiana di Neonatologia - Lazio (SIN)

DAVIDE VECCHIO

Pediatra genetista

FEDERICO CARLO PERNO

Professore ordinario di Microbiologia, Università di Tor Vergata

MAGDA DI RENZO

Psicoterapeuta infantile, Istituto di Ortofonologia (IdO)

ELENA VANADIA

Neuropsichiatra infantile, Istituto di Ortofonologia (IdO)

FEDERICO BIANCHI DI CASTELBIANCO

Psicoterapeuta infantile, Istituto di Ortofonologia (IdO)



Per informazioni: www.sip.it - info@sip.it

Tutti i partecipanti riceveranno gratuitamente gli strumenti utili per gli aspetti operativi quali software per la compilazione di schede di screening neuroevolutivo, kit con piccoli qiochi da studio pediatrico per la rilevazione di competenze presenti nel bambino, articoli, libri ed è prevista una consulenza online sugli argomenti trattati anche post corso.

Le basi epigenetiche dei disturbi del neurosviluppo

Davide Vecchio

Consigliere junior Società Italiana di Pediatria

Roma, 24 Febbraio 2021

EPIGENETICA

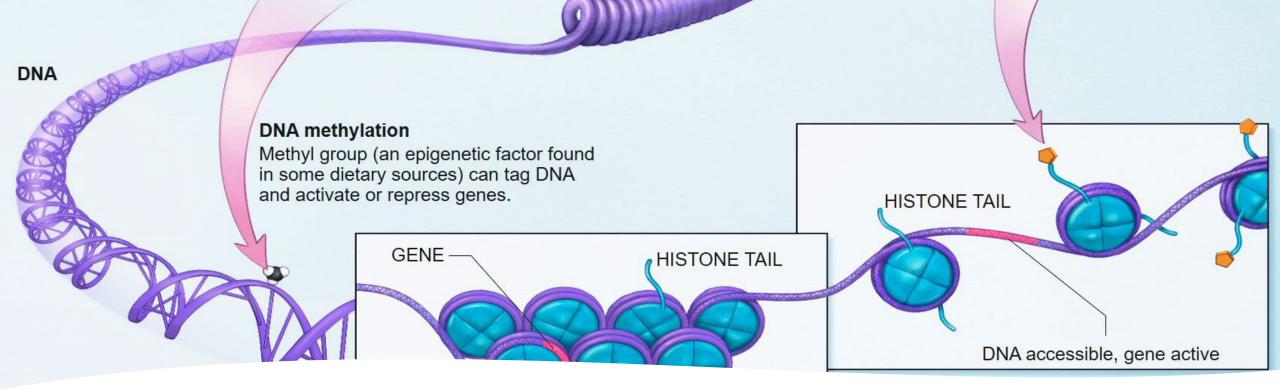
Definizione

L'epigenetica è una branca della genetica che si occupa dei cambiamenti fenotipici ereditabili da una cellula o un organismo, in cui non si osserva una variazione del genotipo.

È definita come "lo studio dei cambiamenti mitotici e meiotici ereditabili che non possono essere spiegati tramite modifiche della sequenza di DNA".

Quello che succede è che viene ereditata una sorta di "impronta" molecolare sul genotipo che determina il grado di attivazione dei geni, la cui sequenza, però, rimane identica. Questa impronta molecolare consta di modificazioni covalenti della cromatina, sia a livello del DNA che delle proteine, ed è pertanto duratura, ma può essere reversibile.

Tali modificazioni (e le relative «epimutazioni») persistono per il resto della vita della cellula e possono trasmettersi a generazioni successive delle cellule attraverso le divisioni cellulari, senza tuttavia che le corrispondenti sequenze di DNA siano mutate; sono quindi fattori non-genomici che provocano una diversa espressione dei geni dell'organismo.



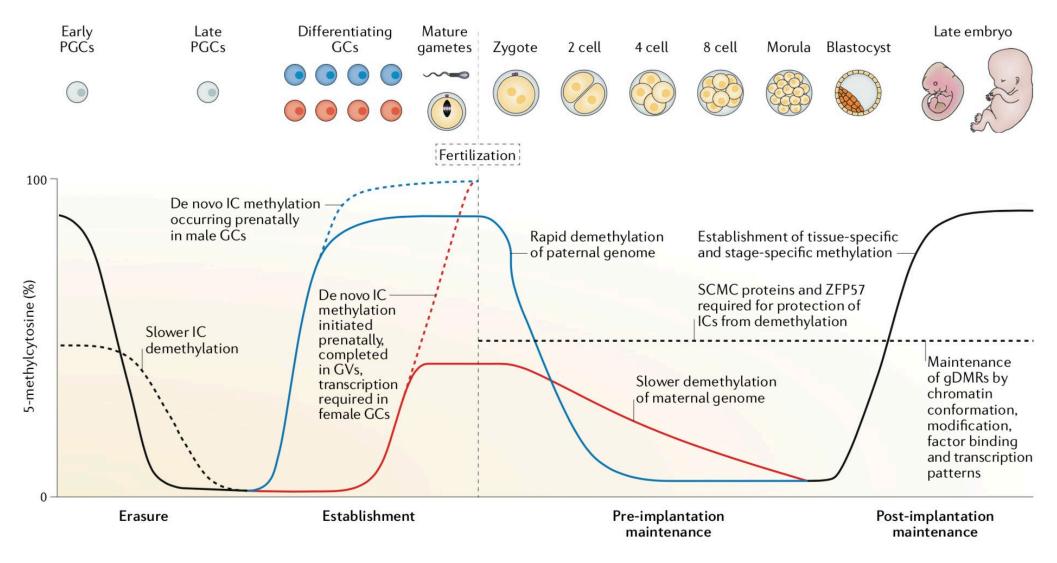
MODIFICAZIONI EPIGENETICHE

- Modificazioni del DNA = addizione covalente di gruppi a sequenze specifiche (es. metilazione della citosina) da parte delle metiltrasferasi
- Modificazione delle proteine = addizione covalente di gruppi a specifiche proteine della cromatina (modificazioni post-traduzionali degli istoni). Tra queste modificazioni vi sono acetilazione, metilazione, ubiquitinazione, fosforilazione, sumoilazione, lattilazione.

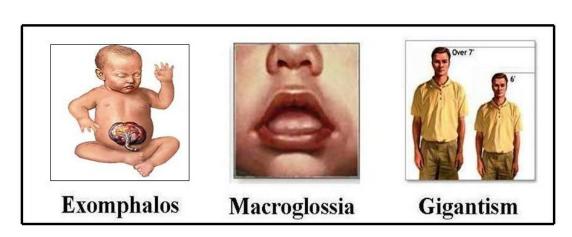
Questi processi alterano l'accessibilità alle regioni del genoma, sulle quali si legano proteine e enzimi deputati all'espressione genica e quindi alterano l'espressione del gene.

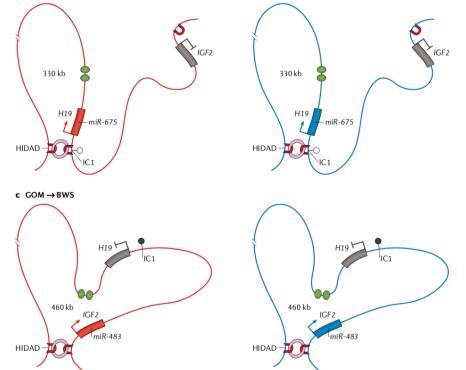
THE LIFE CYCLE OF IMPRINTS

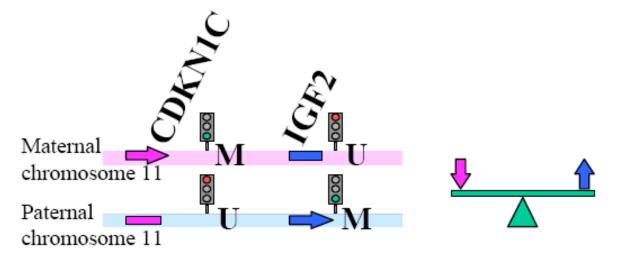
Imprinting genomico: non equivalenza del genoma a seconda dell'origine parentale, ovvero la diversa espressione di alcuni geni a seconda che siano localizzati sul cromosoma di origine materna o su quello di origine paterna.

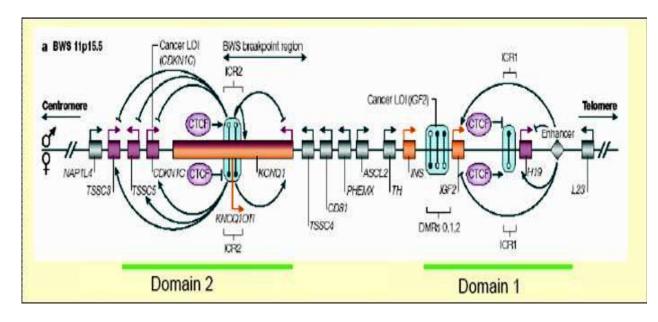


THE IMPRINTED 11p15.5 REGION AS AN EXAMPLE OF AN EPIGENETIC ERROR IN IMPRINTING DISORDERS









Monk, D., et al. Genomic imprinting disorders: lessons on how genome, epigenome and environment interact.Nat Rev Genet 20, 235–248 (2019)

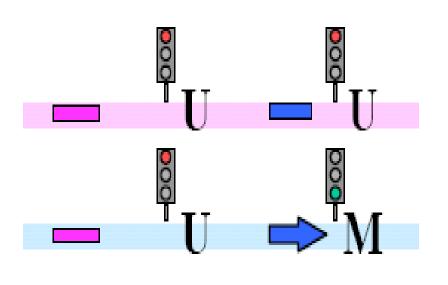
BWS EPIGENOTYPE

1) Perdita della normale metilazione dell'ICR KvDMR sull'allele materno.

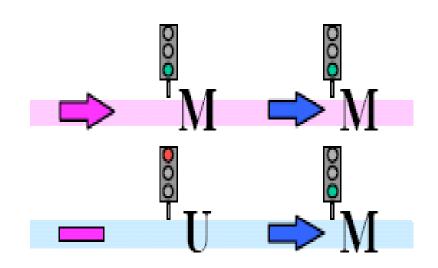
Alterazione più frequentemente riportata, occorrendo in circa il 40 – 45% dei casi.

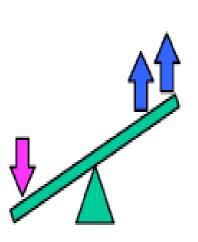
2) Ipermetilazione dell'ICR H19DMR sull'allele materno.

E' stimata essere responsabile del 5% dei casi circa. Tuttavia per la conseguente espressione biallelica dell'IGF2 è quella in assoluto più correlata al rischio oncogeno per il pz con BWS.

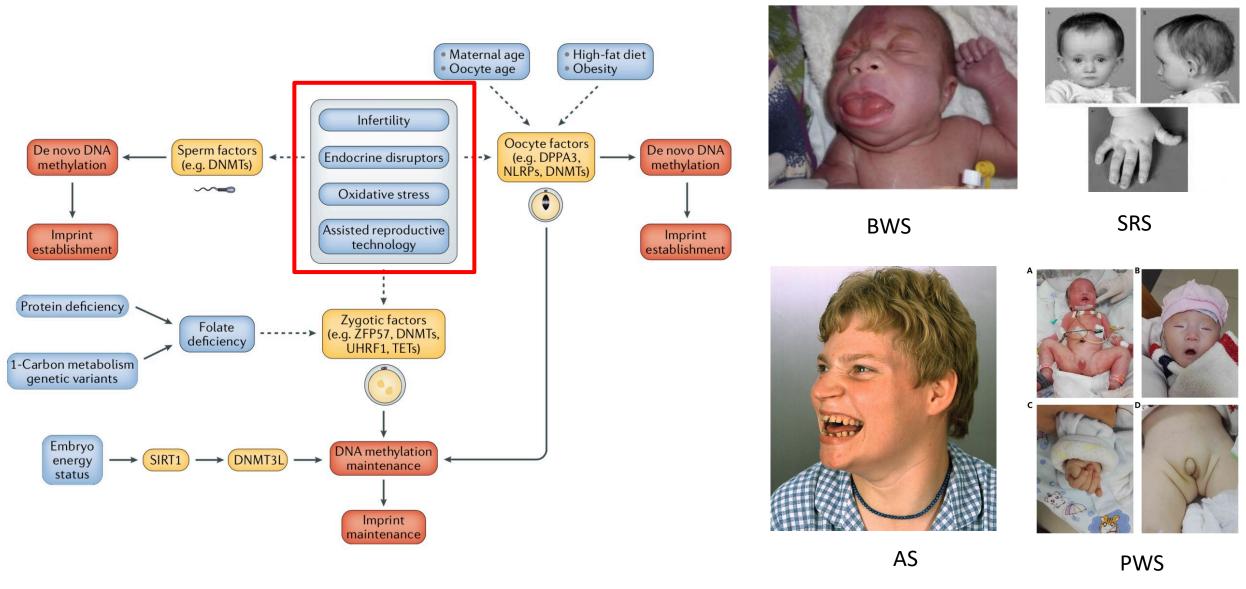








INTERACTION BETWEEN ENVIRONMENTAL AND GENETIC FACTORS AND ITS IMPACT ON GENOMIC IMPRINTING



Monk, D., et al. Genomic imprinting disorders: lessons on how genome, epigenome and environment interact.Nat Rev Genet 20, 235–248 (2019)

Sindrome di Angelman

La sindrome di Angelman (AS) è caratterizzata da grave disabilità intellettiva e dismorfismi facciali caratteristici (microcefalia, macrostomia, ipoplasia mascellare e progratismo, etc..).

La sua prevalenza nella popolazione generale è stimata in 1 su 10.000 - 20.000 persone. Nei primi 6 mesi di vita possono manifestarsi disturbi dell'alimentazione e ipotonia, seguiti da grave ritardo dello sviluppo tra i 6 mesi e i 2 anni.





In genere i sintomi caratteristici si manifestano a partire dal primo anno di vita con assenza di produzione del linguaggio quindi compaiono crisi di riso associate a movimenti stereotipati delle mani e disturbi neurologici con andatura atassica e attacchi epilettici associati ad anomalie specifiche all'elettroencefalogramma (EEG: attività delta trifasica con picchi nelle regioni frontali).

Altri segni clinici comprendono l'aspetto felice (happy puppet), l'iperattività senza aggressività, l'ipereccitabilità, i disturbi del sonno, elevata sensibilità al calore e attrazione per l'acqua.



Sindrome di Prader-Willi

La sindrome di Prader-Willi è una malattia genetica rara caratterizzata da anomalie ipotalamico-pituitarie associate a grave ipotonia nel periodo neonatale e nei primi due anni di vita ed all'insorgenza di iperfagia che esita nel rischio di obesità patologica durante l'infanzia e nell'età adulta, a difficoltà di apprendimento e a disturbi comportamentali e psichiatrici gravi. L'incidenza è di 1/25.000 nati vivi. Sono state spesso segnalate caratteristiche facciali peculiari (fronte stretta, occhi a mandorla, labbro superiore sottile e bocca rivolta verso il basso) e mani e piedi molto piccoli.

L'ipotonia grave alla nascita comporta problemi alla deglutizione e all'allattamento e un ritardo dello sviluppo psicomotorio, ma tende a attenuarsi parzialmente con l'età. Dopo questa fase iniziale, i segni principali sono l'iperfagia e la mancanza di sazietà con conseguente obesità grave causa più importante di morbidità in questi pazienti

Altre anomalie endocrine correlate contribuiscono a un quadro clinico caratterizzato da bassa statura, deficit dell'ormone della crescita, e sviluppo puberale incompleto. Il deficit cognitivo è estremamente variabile e si associa a c difficoltà di apprendimento e a uno sviluppo anomalo del linguaggio, spesso aggravati dai disturbi comportamentali e psicologici.

La diagnosi precoce, un follow-up multidisciplinare e la terapia con l'ormone della crescita (GH) hanno migliorato sensibilmente la qualità della vita di questi bambini anche se al momento non esistono dati sugli effetti a lungo termine della terapia con GH negli adulti, in particolare circa l'effetto sui disturbi comportamentali e sul grado di autonomia raggiunto.

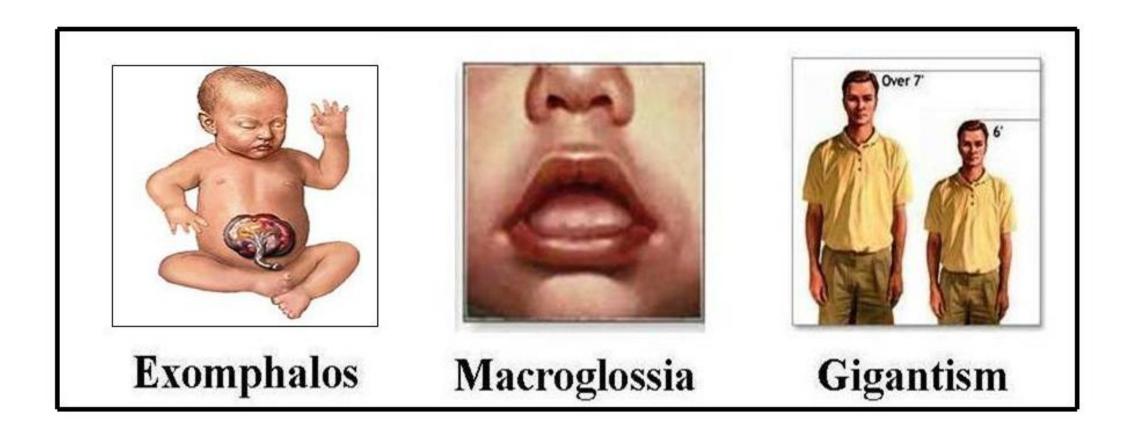








BWS CLINICAL PICTURE



"More than 90% of children with BWS that were born after ART had imprinting defects, compared with 40%-50% of children with BWS and conceived without ART"

Letters to JMG

Beckwith-Wiedemann syndrome and assisted reproduction technology (ART) FREE



ER Maher^{1, 2}, LA Brueton^{1, 2}, SC Bowdin², A Luharia², W Cooper¹, TR Cole^{1, 2}, F Macdonald^{1, 2}, JR Sampson³, CL Barratt⁴, W Reik⁵, MM Hawkins⁶



Fertility and Sterility

Volume 83, Issue 2, February 2005, Pages 349-354



In vitro fertilization

Association between Beckwith-Wiedemann syndrome and assisted reproductive technology: A case series of 19 patients

Presented at the Annual Meeting of the American Society for Reproductive Medicine, San Antonio, Texas, 2003.

Aimee S. Chang M.D. ^a, Kelle H. Moley M.D. ^a, Michael Wangler M.S. ^b, Andrew P. Feinberg M.D., M.P.H. ^c, Michael R. DeBaun M.D., M.P.H. ^d △ ☑

Clinical and molecular genetic features of Beckwith-Wiedemann syndrome associated with assisted reproductive technologies ®

Derek Lim, Sarah C. Bowdin, Louise Tee, Gail A. Kirby, Edward Blair, Alan Fryer, Wayne Lam, Christine Oley, Trevor Cole, Louise A. Brueton ... Show more

Human Reproduction, Volume 24, Issue 3, March 2009, Pages 741–747, https://doi.org/10.1093/humrep/den406

Published: 10 December 2008 Article history ▼



Fertility and Sterility Volume 94, Issue 2, July 2010, Pages 754.e1-754.e2

Wiedemann syndrome in both spontaneous

Is it the patient or the IVF? Beckwith-

and assisted reproductive conceptions

Estil Y. Strawn Jr. M.D. ^a A ™, David Bick M.D. ^b, Amy Swanson ^c



Research | Open Access | Published: 10 December 2013

Epimutation profiling in Beckwith-Wiedemann syndrome: relationship with assisted reproductive technology

Louise Tee, Derek HK Lim, Renuka P Dias, Marie-Odile Baudement, Amy A Slater, Gail Kirby, Tom Hancocks, Helen Stewart, Carol Hardy, Fiona Macdonald & Eamonn R Maher ⊡

Curr Opin Endocrinol Diabetes Obes. 2010 December; 17(6): 517–522. doi:10.1097/MED. 0b013e32834040a3.

Imprinting disorders and assisted reproductive technology

Lawrence N. Odom^a and James Segars^b

^aDepartment of Obstetrics and Gynecology, University of Tennessee Health Science Center, Memphis, Tennessee

^bReproductive Biology and Medicine Branch, *Eunice Kennedy Shriver* National Institute of Child Health and Human Development, National Institutes of Health, Bethesda, Maryland, USA

Original article



The epigenetic imprinting defect of patients with Beckwith— Wiedemann syndrome born after assisted reproductive technology is not restricted to the 11p15 region

S Rossignol¹, V Steunou¹, C Chalas², A Kerjean², M Rigolet³, E Viegas-Pequignot³, P Jouannet², Y Le Bouc¹, C Gicquel¹ Author affiliations +

Curr Opin Endocrinol Diabetes Obes. 2010 December; 17(6): 517–522. doi:10.1097/MED. 0b013e32834040a3.

Imprinting disorders and assisted reproductive technology

Lawrence N. Odom^a and James Segars^b

^aDepartment of Obstetrics and Gynecology, University of Tennessee Health Science Center, Memphis, Tennessee

^bReproductive Biology and Medicine Branch, *Eunice Kennedy Shriver* National Institute of Child Health and Human Development, National Institutes of Health, Bethesda, Maryland, USA

Assisted Reproductive Techniques and Risk of Beckwith-Wiedemann Syndrome



Alessandro Mussa, MD, PhD,^{a,b} Cristina Molinatto, MD,^a Flavia Cerrato, PhD,^c Orazio Palumbo, PhD,^d Massimo Carella, PhD,^d Giuseppina Baldassarre, MD,^a Diana Carli, MD,^a Clementina Peris, MD,^e Andrea Riccio, MD, PhD,^c Giovanni Battista Ferrero, MD, PhD^a

METHODS: Patients with BWS born in Piemonte, Italy, were identified and matched with the general demographic data and corresponding regional ART registry.

RESULTS; BWS birth prevalence in the ART group was significantly higher than that of the naturally conceived group (1:1126 vs 1:12 254, P < .001). The absolute live birth risk in the ART group was 887.9 per 1 000 000 vs 83.3 per 1 000 000 in the naturally conceived group, providing a relative risk of 10.7 (95% confidence interval 4.7–24.2).

Epidemiology of BWS in Patients Conceived Naturally and through ART in the Time Period 2005–2014

Conception	BWS	Non-BWS	Total Live Births	Risk (Per 1 000 000 Live Births)	Prevalence
ART	7	7877	7884	887.9	1:1126
Natural	31	371957	371 988	83.3	1:12 000
Total	38	379 834	379 872	100.1	1:9997

CONCLUSIONS: ART entails a 10-fold increased risk of BWS and could be implicated in the pathogenesis of genomic events besides methylation anomalies.

Mussa, A., Molinatto, C., Cerrato, F., Palumbo, O., Carella, M., Baldassarre, G., ... & Ferrero, G. B. (2017). Assisted reproductive techniques and risk of Beckwith-Wiedemann syndrome. Pediatrics, 140(1), e20164311.

Comprehensive meta-analysis reveals association between multiple imprinting disorders and conception by assisted reproductive technology

Published data reveal positive associations between history of ART conception and each of the four major imprinting disorders.

655 reports identified by online searches

Pubmed MESH search and/or Pubmed keyword search or Web of Science citation search 0 records identified by other means

Informal inquiry of experts Conference abstracts Theses and dissertations

5 duplicate reports removed

Title and abstract of 650 reports screened to retain studies meeting inclusion criteria:

Individual data collected from human participants

One or more procedure used in ART measured as independent variable Human imprinting disorders scored as dependent variable

623 reports not meeting inclusion criteria removed

Full text of 27 reports critically reviewed to retain studies meeting quality standards:

Original data

Unique representation of participants

Availability of reference population

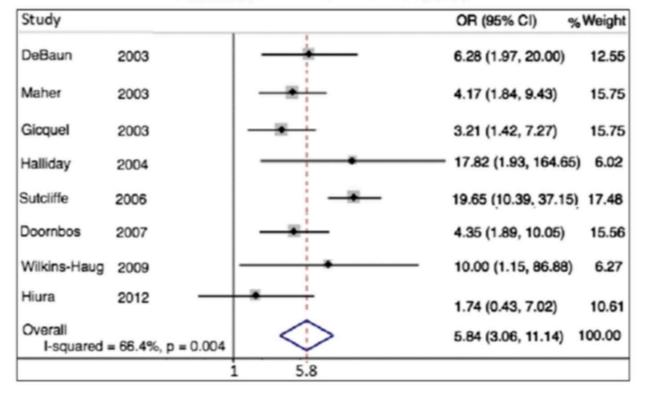
Appropriate independent and outcome variables

14 reports not meeting quality standards removed (Enumerated in Supplementary Table 2)

- 1 not providing original cases
- 2 providing redundant data
- 9 case series or inadequately controlled studies
- 2 not addressing imprinting disorders

Data on 23 studies extracted from 13 reports

- 8 reporting on Beckwith-Wiedemann syndrome
- 4 reporting on Angelman syndrome
- 6 reporting on Prader Willi syndrome
- 3 reporting on Silver-Russell syndrome
- 1 reporting on transient neonatal diabetes mellitus
- 1 reporting on sporadic retinoblastoma



Journal of Assisted Reproduction and Genetics (2018) 35:943–952

SCIENTIFIC REPORTS



Identification

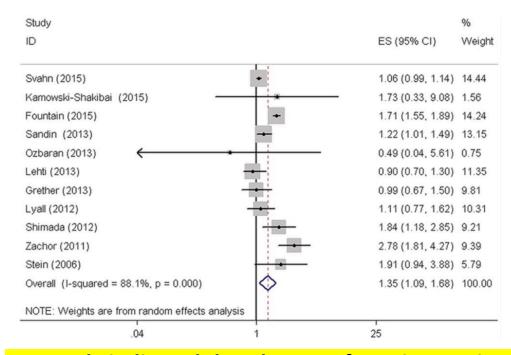
Included

PRISMA 2009 Flow Diagram

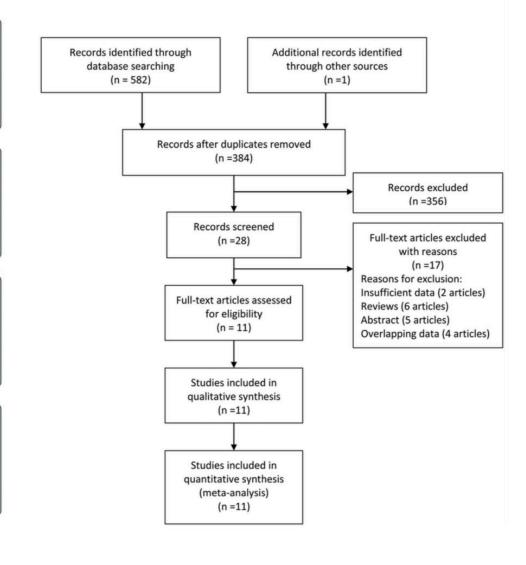
OPEN Association between assisted reproductive technology and the risk of autism spectrum disorders in the offspring: a meta-analysis

Received: 24 August 2016 Accepted: 13 March 2017 Published: 07 April 2017

Liang liu*, Junwei Gao*, Xie He, Yulong Cai, Lian Wang & Xiaotang Fan

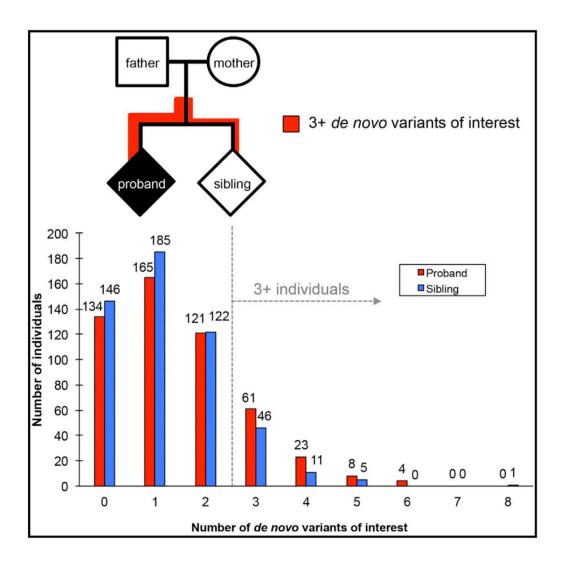


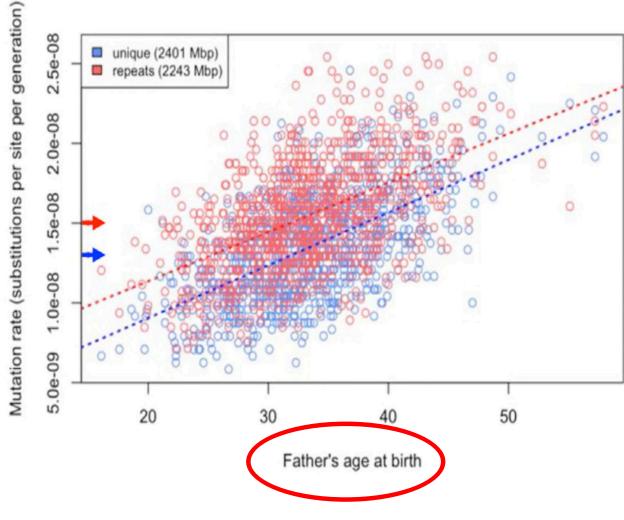
Our study indicated that the use of ART is associated with higher risk of ASD in the offspring.



Gao, Junwei, et al. "Association between assisted reproductive technology and the risk of autism spectrum disorders in the offspring: a meta-analysis." Scientific reports 7 (2017): 46207.

Genomic Patterns of De Novo Mutation in Simplex Autism

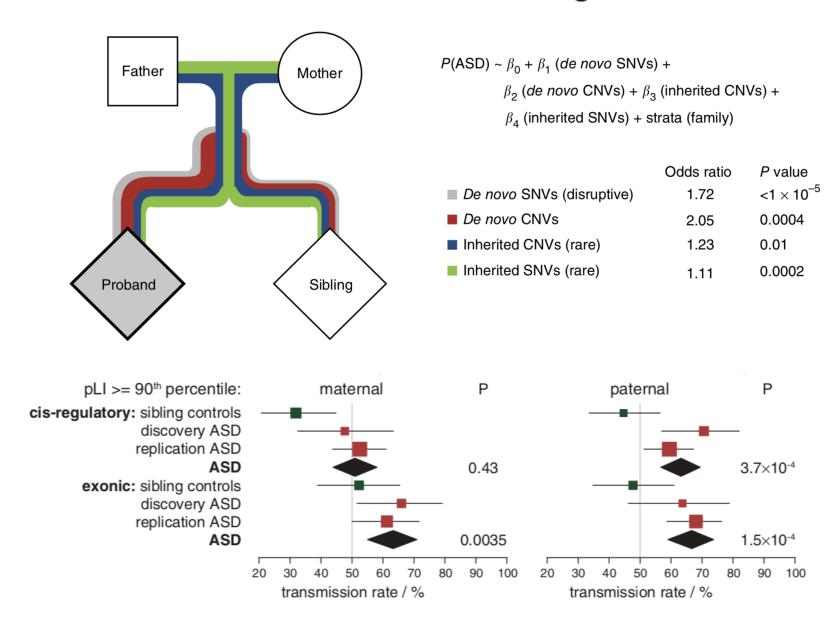








Excess of rare, inherited truncating mutations in autism





Tab. 3.4.9: Distribuzione dei cicli iniziati con tecniche a fresco nell'anno 2017 secondo le classi di età del partner maschile

Classi di età del partner	Cicli Iniziati con tecniche a fresco		
maschile	N	%	
≤ 34 anni	9.135	17,2	
35-39 anni	17.560	33,1	
40-44 anni	16.421	31,0	
≥ 45 anni	9.898	18,7	
Totale	53.014	100	

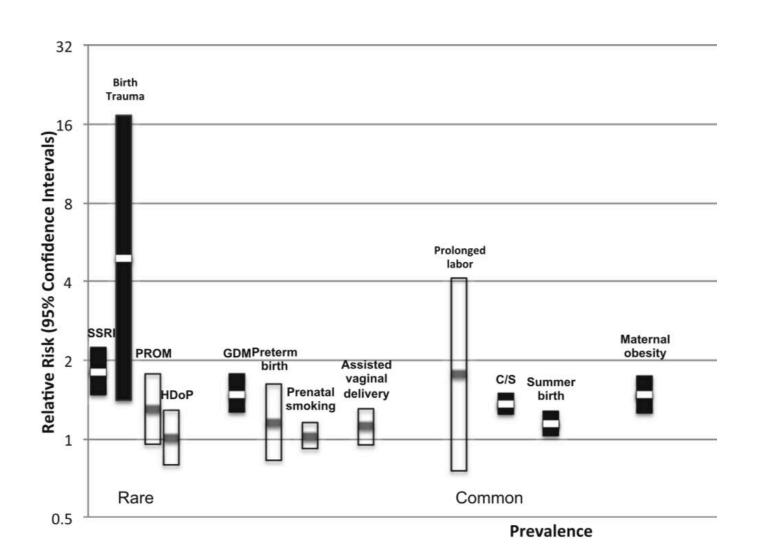


Ministero della Salute

RELAZIONE DEL MINISTRO DELLA SALUTE AL PARLAMENTO SULLO STATO DI ATTUAZIONE DELLA LEGGE CONTENENTE NORME IN MATERIA DI PROCREAZIONE MEDICALMENTE ASSISTITA (LEGGE 19 FEBBRAIO 2004, N. 40, ARTICOLO 15)

Phenotype **Environment** Genes **Epigenetics** - DNA -- Individual Coding and • Age non-coding variability • Gender - Copy number variation Obesity - Gene expression variability • Diet Microbiome - Networks Co-morbidities • Stress - Physical · Environmental tobacco smoke • Toxins Pollution Allergens - Drugs - Pathogens - Psychosocial

Environmental risk factors for autism: an evidence-based review of systematic reviews and meta-analyses



Advanced parental age is associated with higher risk of ASD.

Birth complications that are associated with trauma or ischemia and hypoxia have also shown strong links to ASD.

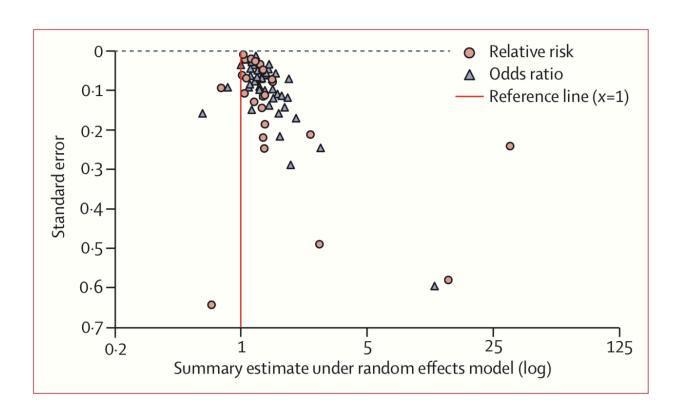
Selective serotonin reuptake inhibitor use is still debated

Other pregnancy-related factors such as maternal obesity and/or maternal diabetes have shown a less strong (but significant) association with risk of ASD.

Modabbernia et al. Molecular Autism (2017) 8:13 DOI 10.1186/s13229-017-0121-4

Environmental risk factors and biomarkers for autism spectrum disorder: an umbrella review of the evidence

Jong Yeob Kim*, Min Ji Son*, Chei Yun Son*, Joaquim Radua, Michael Eisenhut, Florence Gressier, Ai Koyanagi, Andre F Carvalho, Brendon Stubbs, Marco Solmi, Theodor B Rais, Keum Hwa Lee, Andreas Kronbichler, Elena Dragioti, Jae Il Shin, Paolo Fusar-Poli



Parental age;

Maternal chronic hypertension;

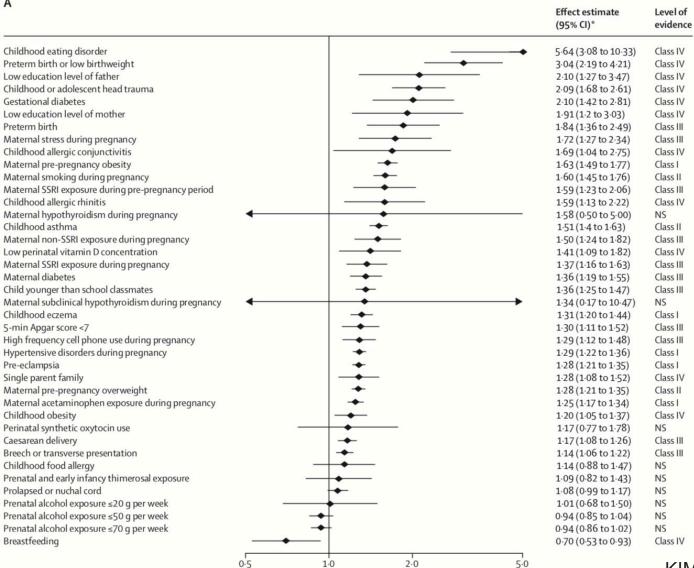
Maternal gestational hypertension;

Maternal overweight prepregnancy or during pregnancy;

Maternal pre-eclampsia;

Pre-pregnancy maternal antidepressant use and SSRI use during pregnancy

Environmental risk factors, protective factors, and peripheral biomarkers for ADHD: an umbrella review



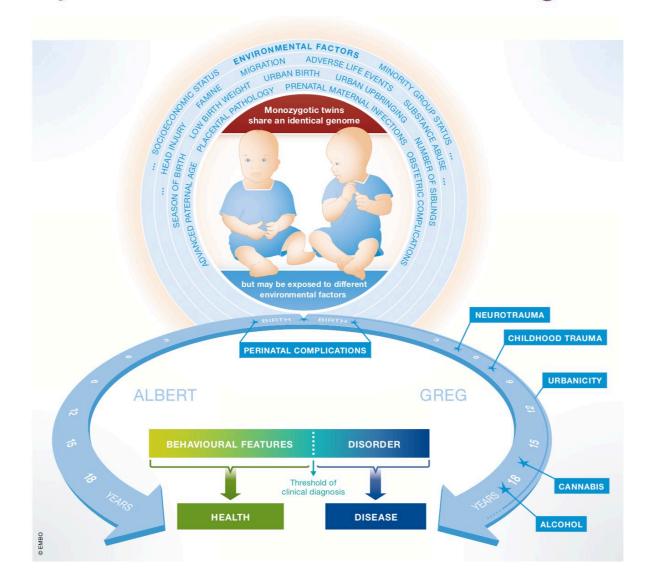
Factors related to the parenting environment were at best graded as class IV evidence.

Only breast feeding showed statistically significant protective effects against ADHD (class IV)

KIM, Jae Han, et al. The Lancet Psychiatry, 2020, 7.11: 955-970.



Early environmental risk factors for neurodevelopmental disorders – a systematic review of twin and sibling studies



To alleviate the prevalence of neurodevelopmental disorders, we need to phenotype the environmental's risk factors



Research

JAMA Pediatrics | Original Investigation

Association of Exposure to Diethylstilbestrol During Pregnancy With Multigenerational Neurodevelopmental Deficits

Marianthi-Anna Kioumourtzoglou, ScD; Brent A. Coull, PhD; Éilis J. O'Reilly, ScD; Alberto Ascherio, MD, DrPH; Marc G. Weisskopf, PhD, ScD

Research

JAMA Pediatrics | Original Investigation

Association of Prenatal Ultrasonography and Autism Spectrum Disorder

N. Paul Rosman, MD; Rachel Vassar, MD; Gheorghe Doros, PhD; James DeRosa, MPH; Allison Froman, MPH; Audrey DiMauro, MD, PhD; Sherry Santiago, MD; Jodi Abbott, MD



ARTICLE

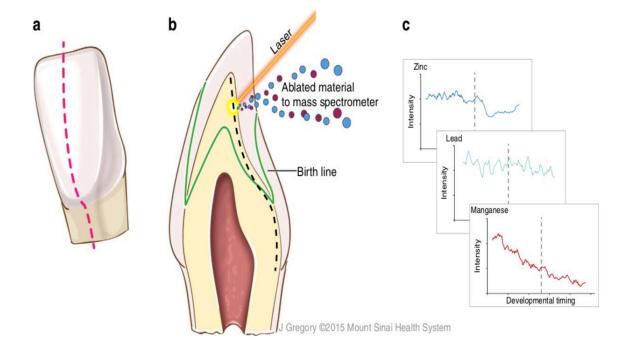
Received 28 Apr 2016 | Accepted 4 Apr 2017 | Published 1 Jun 2017

DOI: 10.1038/ncomms15493

OPEN

Fetal and postnatal metal dysregulation in autism

Manish Arora¹, Abraham Reichenberg^{1,2}, Charlotte Willfors^{3,4}, Christine Austin¹, Chris Gennings¹, Steve Berggren^{3,4}, Paul Lichtenstein⁵, Henrik Anckarsäter⁶, Kristiina Tammimies^{3,4} & Sven Bölte^{3,4}



We...annotated 30,000 genetic loci that were associated with 540 traits...

